

Document made available under the Patent Cooperation Treaty (PCT)

International application number: PCT/JP04/016776

International filing date: 04 November 2004 (04.11.2004)

Document type: Certified copy of priority document

Document details: Country/Office: JP
Number: 2003-374944
Filing date: 04 November 2003 (04.11.2003)

Date of receipt at the International Bureau: 24 February 2005 (24.02.2005)

Remark: Priority document submitted or transmitted to the International Bureau in compliance with Rule 17.1(a) or (b)



World Intellectual Property Organization (WIPO) - Geneva, Switzerland
Organisation Mondiale de la Propriété Intellectuelle (OMPI) - Genève, Suisse

日本国特許庁
JAPAN PATENT OFFICE

28. 1. 2005

別紙添付の書類に記載されている事項は下記の出願書類に記載されている事項と同一であることを証明する。

This is to certify that the annexed is a true copy of the following application as filed with this Office.

出願年月日 Date of Application: 2003年11月 4日

出願番号 Application Number: 特願2003-374944

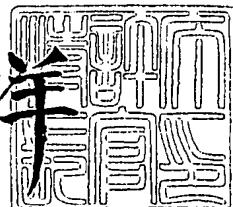
[ST. 10/C]: [JP2003-374944]

出願人 Applicant(s): 宮川 周士
株式会社日本動物工学研究所

2004年12月 3日

特許庁長官
Commissioner,
Japan Patent Office

小川



【書類名】 特許願
【整理番号】 03YNH84
【あて先】 特許庁長官殿
【国際特許分類】 C12N 15/09
A61K 48/00

【発明者】

【住所又は居所】 兵庫県芦屋市津知町 3-12
【氏名】 宮川 周士

【発明者】

【住所又は居所】 大阪府茨木市南春日丘 5-5-43
【氏名】 松浪 勝義

【特許出願人】

【識別番号】 503198688
【氏名又は名称】 宮川 周士

【特許出願人】

【識別番号】 503200095
【氏名又は名称】 株式会社日本動物工学研究所

【代理人】

【識別番号】 100085486
【弁理士】
【氏名又は名称】 廣瀬 孝美

【手数料の表示】

【予納台帳番号】 069339
【納付金額】 21,000円

【提出物件の目録】

【物件名】 特許請求の範囲 1
【物件名】 明細書 1
【物件名】 要約書 1
【包括委任状番号】 0310154
【包括委任状番号】 0310153

【書類名】特許請求の範囲

【請求項1】

下記のアミノ酸配列を有するHLA-Eキメラ分子。

(1) HLA-E分子の α 2ドメインの全部又は一部を、HLA-G1分子の α 2ドメインの全部又は一部に置換したHLA-Eキメラ分子、

(2) 前記(1)と共に、HLA-E分子のシグナルペプチド(SP)を、HLA-G1分子のSPの一部を改変した改変型SPに置換したHLA-Eキメラ分子、又は

(3) 前記(2)と共に、HLA-E分子の α 1ドメイン及び α 2ドメインのアミノ酸配列の一部を、それぞれHLA-G1分子の α 1ドメイン及び α 2ドメインのアミノ酸配列の一部に置換したHLA-Eキメラ分子。

【請求項2】

請求項1に記載される各HLA-Eキメラ分子をコードする塩基配列。

【請求項3】

請求項2に記載される塩基配列で形質転換された非ヒト哺乳動物細胞又は非ヒト哺乳動物。

【書類名】明細書

【発明の名称】HLA-Eキメラ分子

【技術分野】

【0001】

本発明はHLA-Eキメラ分子に関する。より詳細には、非ヒト哺乳類細胞にヒトNK細胞の細胞傷害活性に対する抵抗性を賦与するHLA-Eキメラ分子及び当該キメラ分子をコードする塩基配列、並びに当該塩基配列で形質転換された非ヒト哺乳類細胞及び非ヒト哺乳動物に関する。

【背景技術】

【0002】

臓器移植は極めて有用な治療法である。臓器移植には同種移植と異種移植があり、各々に長所と短所がある。ヒトからヒトへの同種移植には医療として確立されているという長所があるが、ドナーの数に限りがあるという短所がある。一方、非ヒト哺乳類（例えば、ブタ）からヒトへの異種移植には、多数の移植片の供給が可能である等の長所はあるが、超急性拒絶（HAR）や急性血管拒絶（AVR）と称される異種移植に特有な拒絶反応を生じるという短所がある。

そこで、異種移植に特有な拒絶反応の克服を目的として、非ヒト哺乳類にヒト補体制御因子を発現させる方法（例えば、特許文献1）、靈長類やヒトには存在しないが非ヒト哺乳類に存在する糖鎖非還元末端のGal α 1,3Gal配列（以下、 α -Gal抗原）を減少させる方法（例えば、特許文献2）、 α -Gal抗原の生成に係わっている α -1,3ガラクトシル転移酵素の遺伝子をノックアウトする方法（例えば、非特許文献1～2）などが開発されている。

【0003】

【特許文献1】特開平11-239430号公報

【特許文献2】特開平2002-291372号公報

【非特許文献1】Science 2002, 295, 1089

【非特許文献2】Nat. Biotechnol. 2002, 20, 251

【0004】

非ヒト哺乳類の移植片がヒトに移植されると、HARを克服できた場合でも、後者の抗体（抗 α -Gal抗体など）、補体、血小板、ナチュラルキラー（以下、NK）細胞が前者の細胞に付着して同細胞を活性化する。活性化された細胞は、各種サイトカインを放出し、ヘパリンを離脱し、隣接する細胞との間に隙間を生じ、基底膜のコラーゲンを露出させ、血液凝固反応を惹起し、血管を閉塞させ、非ヒト哺乳類の移植片を壊死させる（非特許文献3）。このような拒絶反応は急性血管拒絶AVRと称されるが、AVRの原因の一つであるNK細胞の細胞傷害活性を効率よく抑制する方法は開発されていなかった。

【0005】

【非特許文献3】Xenotransplantation 1998, 5, 169

【0006】

NK細胞は標的細胞と2種類の受容体を介して接着する。即ち、細胞傷害活性を誘導するキラー細胞活性化受容体、及び自己のMHCクラスI分子を認識して細胞傷害活性を抑制するキラー細胞抑制性受容体である。そして、前者からのシグナルが後者からのシグナルを上回る場合には、標的細胞を壊死させるが、後者からのシグナルが前者からのシグナルを上回る場合には、標的細胞を壊死させない。

ヒト細胞はHLAクラスI分子（HLA-A、-B、-C、-E、-F、-G）を発現しているから、ヒト細胞はヒトNK細胞による細胞傷害を受けない。一方、非ヒト哺乳類細胞はヒトHLAクラスI分子を発現していないから、ヒトNK細胞による細胞傷害を受ける。そこで、非ヒト哺乳類細胞をヒトHLA-A、HLA-B、HLA-C又はHLA-Gの遺伝子で形質転換し、ヒトNK細胞による細胞傷害を回避する方法が開発された（特許文献3）。しかしHLA-A、HLA-BとHLA-Cは多型であり、それぞれ175種類、344種類と90種類の対立遺伝子が存在するから、それぞれのHLA-Aに対応可能な非ヒト哺乳類細胞を調製することは実際的でなかった。

そこで、HLA-EとHLA-Gが多型でないことに着目して、HLA-EとHLA-Gの利用が試みられた

。その結果、非ヒト哺乳類細胞の表面にHLA-Gを発現させることは比較的容易であるが、ヒトNK細胞による細胞傷害抑制活性は低いこと、逆に非ヒト哺乳類細胞の表面にHLA-Eを発現させることは容易でないがヒトNK細胞による細胞抑制活性は高いこと、が分かった（非特許文献4）。

また非ヒト哺乳類細胞表面のHLA-E発現量を向上させる目的で、HLA-E、 β_2 ミクログロブリン及びHLA-A2のリーダーペプチド（Val-Met-Ala-Pro-Arg-Thr-Leu-Val-Leu）をコードする塩基配列、又はHLA-Gのリーダーペプチド（Val-Met-Ala-Pro-Arg-Thr-Leu-Phe-Leu）をコードする塩基配列を用いる試みもなされた。しかし、これら形質転換体のHLA-Eの発現量やNK細胞の細胞傷害抑制活性は十分でなかった（非特許文献5）。

【0007】

【特許文献3】特表平11-510698号公報

【非特許文献4】Transplantation Proceedings 2000, 32, 939

【非特許文献5】Transplantation 2002, 73, 1582

【発明の開示】

【発明が解決しようとする課題】

【0008】

本発明は従来技術に存在する上記課題を解決するためになされたものであり、本発明者は非ヒト哺乳類細胞にヒトNK細胞による細胞傷害活性への抵抗性を賦与するHLA-Eキメラ分子について鋭意検討し、

(1) HLA-E分子の α_2 ドメインの全部又は一部を、HLA-G1分子の α_2 ドメインの全部又は一部に置換したHLA-Eキメラ分子、

(2) 前記(1)と共に、HLA-E分子のシグナルペプチド（SP）を、HLA-G1分子のSPの一部を改変した改変型SPに置換したHLA-Eキメラ分子、又は

(3) 前記(2)と共に、HLA-E分子の α_1 ドメイン及び α_2 ドメインのアミノ酸配列の一部を、それぞれHLA-G1分子の α_1 ドメイン及び α_2 ドメインのアミノ酸配列の一部に置換したHLA-Eキメラ分子、

のそれぞれをコードする塩基配列を作成し、それらを用いて非ヒト哺乳類細胞を形質転換したところ、HLA-Eキメラ分子の発現量が増加すると共に、ヒトNK細胞による細胞傷害活性に対する抵抗性を増加することを見出して本発明を完成させた。

即ち、本発明は、非ヒト哺乳類細胞にヒトNK細胞による細胞傷害活性に対する抵抗性を賦与するHLA-Eキメラ分子、及びそれらをコードする塩基配列、並びに当該塩基配列で形質転換された非ヒト哺乳類細胞及び非ヒト哺乳動物を提供する。

なお、改変型SPとは、SPのアミノ酸配列の1又は2以上のアミノ酸が置換若しくは欠失され、又は1又は2以上のアミノ酸が付加された配列をいい、例えば、HLA-G1分子のSP(MVVMAPRTLFLLLSGALTTLTETWA)を改変したSP(MAVMAPRTLVLSSGALTTLTETWA)が例示される。

また、HLA-E及びHLA-G1分子のアミノ酸配列及び塩基配列については後記する。

【課題を解決するための手段】

【0009】

上記の課題を解決するための本発明の要旨は、非ヒト哺乳類細胞にヒトNK細胞による細胞傷害活性に対する抵抗性を賦与するHLA-Eキメラ分子及びそれらをコードする塩基配列であり、より具体的な例としては下記の性状を有するキメラ分子及びそれをコードする塩基配列が示される。

(1) 改変型SPを有すると共に、HLA-E分子の α_2 ドメインのアミノ酸91-182がHLA-G1分子の α_2 ドメインのアミノ酸91-182に置換された以外はHLA-E分子であるHLA-Eキメラ分子（アミノ酸配列番号1）とそれをコードする塩基配列（塩基配列番号1）；

(2) 改変型SPを有すると共に、HLA-E分子の α_2 ドメインの後半部分のアミノ酸137-182がHLA-G1分子の α_2 ドメインの後半部分のアミノ酸137-182に置換された以外はHLA-E分子であるHLA-Eキメラ分子（アミノ酸配列番号2）とそれをコードする塩基配列（塩基配列番号2）；

(3) 改変型SPを有すると共に、HLA-E分子の α 2ドメインの後半部分のうちのその前半部分のアミノ酸137-150をHLA-G1分子の α 2ドメインの後半部分のうちその前半部分のアミノ酸137-150に置換された以外はHLA-E分子であるHLA-Eキメラ分子（アミノ酸配列番号3）とそれをコードする塩基配列（塩基配列番号3）；

(4) HLA-E分子のSP又は改変型SPを有し、HLA-E分子の α 2ドメインのアミノ酸147がシステインに置換された以外はHLA-E分子であるHLA-Eキメラ分子（アミノ酸配列番号4又は同5）とそれをコードする塩基配列（塩基配列番号4又は同5）；

(5) HLA-E分子のSP又は改変型SPを有し、HLA-E分子の α 1ドメインのアミノ酸11がアラニンに置換されていると共に、 α 2ドメインのアミノ酸147がシステインに置換されている以外はHLA-E分子であるHLA-Eキメラ分子（アミノ酸配列番号6又は同7）とそれをコードする塩基配列（塩基配列番号6又は同7）；及び

(6) 前記(1)から(5)の何れかのHLA-Eキメラ分子をコードする塩基配列の一つで形質転換され作製された、ヒトNK細胞による細胞傷害活性に対する抵抗性を賦与された非ヒト哺乳類細胞又は非ヒト哺乳動物。

【発明の効果】

【0010】

本発明のHLA-Eキメラ分子は非ヒト哺乳類細胞に効率よく発現するので、ヒトNK細胞による細胞傷害活性に対する抵抗性を非ヒト哺乳類細胞に賦与することができる。従って、本発明のHLA-Eキメラ分子は、非ヒト哺乳類の細胞、組織、臓器をヒトに異種移植する際に生じるヒトNK細胞による細胞傷害や急性血管拒絶（AVR）の発生の防止に奏効する。

【発明を実施するための最良の形態】

【0011】

ヒトHLAクラスI分子はシグナルペプチド（SP）、 α 1ドメイン、 α 2ドメイン、 α 3ドメイン及び膜貫通（TM）ドメインから成り、これに β_2 ミクログロブリン（ β_2 m）が配された構造を探る。

また、ヒトHLAクラスI分子は、立体構造的に、 α 1ドメインと α 2ドメインで形成される溝に、シグナルペプチド（SP）に由来するオリゴペプチドを挟み込んで抗原提示する。

前述のように、非ヒト哺乳類細胞をHLA-Gの遺伝子を用いて形質転換させることは比較的容易であるが、ヒトNK細胞傷害活性抑制能は低い。逆に、非ヒト哺乳類細胞をHLA-Eの遺伝子を用いて形質転換させれば、より高いヒトNK細胞傷害活性抑制能を得られるが、形質転換させること自体が容易でない。そこで、ヒトNK細胞の細胞傷害活性に対する抵抗性を非ヒト哺乳類細胞に賦与することを目的として、HLA-G1分子とHLA-E分子の分子内ドメインを入れ換えたHLA-Eキメラ分子をコードする塩基配列を作製し、非ヒト哺乳類の細胞株を形質転換し、抗HLA抗体（B9.12.1、コスモバイオ）を使用して発現強度の増減をFACS解析し、鋭意検討した。そして後記の実施例が示すように、次に掲げるHLA-Eキメラ分子をコードする塩基配列で形質転換された非ヒト哺乳類細胞のHLA-E発現量は増加し、ヒトNK細胞の細胞傷害活性に対する抵抗性が増加することを見出した。

【0012】

- (1) HLA-E分子のSP（MVDGTLLLLSEALALTQW）をHLA-G1分子のSP（MVVMAPRTLFLSGALTLETW）を改変したSP（MAVMAPRTLVLSSGALTLETW）；後記実施例で使用した改変型SPである）と置換すると共に、HLA-E分子の α 2ドメイン（アミノ酸91-182）をHLA-G1分子の α 2ドメイン（アミノ酸91-182）に置換したHLA-Eキメラ分子、
- (2) HLA-E分子のSPを上記改変SPと置換すると共に、HLA-E分子の α 2ドメインの後半部分（アミノ酸137-182）をHLA-G1分子の α 2ドメインの後半部分（アミノ酸137-182）に置換したHLA-Eキメラ分子、
- (3) HLA-E分子のSPを上記改変SPと置換すると共に、HLA-E分子の α 2ドメインの後半部分のうちのその前半部分（アミノ酸137-150）をHLA-G1分子の α 2ドメインの後半部分のうちその前半部分（アミノ酸137-150）に置換したHLA-Eキメラ分子、
- (4) HLA-E分子のSPを上記改変SPと置換する又は置換しないで、HLA-E分子の α 2ドメイン

のアミノ酸147のセリンをHLA-G1分子の α 2ドメインのアミノ酸147のシステインに置換したHLA-Eキメラ分子、及び

(5) HLA-E分子のSPを上記改変SPと置換する又は置換しないで、HLA-E分子の α 1ドメインのアミノ酸11のセリン及び同 α 2ドメインのアミノ酸147のセリンのそれぞれをHLA-G1分子の α 1のアミノ酸11のアラニン及び同 α 2のアミノ酸147のシステインに置換したHLA-Eキメラ分子。

【0013】

上記(1)から(5)に記載の何れか一つのHLA-Eキメラ分子をコードする塩基配列と遺伝子プロモーター(例えば、 β アクチンのプロモーター、pMCPのプロモーターなど)及び/又はその他の発現調節配列からなる導入遺伝子を構築し、非ヒト哺乳類の細胞を形質転換すれば、ヒトNK細胞の細胞傷害活性に対する抵抗性を有する非ヒト哺乳類細胞を調製することができる。

また当該導入遺伝子をマイクロインジェクション法により非ヒト哺乳類の受精卵に注入すれば、ヒトNK細胞の細胞傷害活性に対する抵抗性を有する細胞、組織、臓器から成る非ヒトトランスジェニック哺乳動物を調製することができる。本発明における非ヒトトランスジェニック哺乳動物は、ヒト以外の哺乳動物であれば特に限定されず、例えば、ブタ、マウス、ラット、ハムスター、ウシ、ウマ、ヒツジ、ウサギ、イヌ、ネコなどが例示され、異種移植を考慮すると、ドナーとして好適なブタが好ましい。

さらに、ヒトNK細胞の細胞傷害活性に対する抵抗性を有する非ヒト哺乳類細胞をドナー細胞として核移植法を適用すれば、ヒトNK細胞の細胞傷害活性に対する抵抗性を有する細胞、組織、臓器から成る非ヒトクローン哺乳動物を調製することができる。これらの非ヒトトランスジェニック哺乳動物又は非ヒトクローン哺乳動物の作製方法としては、公知の方法及び至適条件を適宜選択すればよい。

【0014】

HLA-Eのアミノ酸配列は以下のとおりである。

HLA-E アミノ酸配列

MVDGTLLLLLSEALALTQTWAGSHSLKYFHTSVSRPGRGEPRFISVGYVDDTQFVRFDNDAASPRMVPRAPWMEQEGSEYWDRETRSARDTAQIFRVLNLRTLRGYYNQSEAGSHTLQWMHGCELGPDRRFLRGYEQFAYDGKDYLTLNEDLRSWTAVDTAAQISEQKSNDASEAEHQRAYLEDCVEWLHKYLEKGKETLLHLEPPKTHVTHHPISDHEATLRCWALGFYPAEITLTWQQDGEHTQDTELVETRPAGDGTQKWAAVVPSGEEQRYTCHVQHEGLPEPVTLRWPASOPTIPIVGIIAGLVLLGSVSGAVVAAVIWRKKSSGGKGGSYSKAEWSDSAQGSESHSL*

(SP)

MVDGTLLLLLSEALALTQTW

(α 1ドメイン)

GSHSLKYFHTSVSRPGRGEPRFISVGYVDDTQFVRFDNDAASPRMVPRAPWMEQEGSEYWDRETRSARDTAQIFRVLNLRTLRGYYNQSEA

(α 2ドメイン)

GSHTLQWMHGCELGPDRRFLRGYEQFAYDGKDYLTLNEDLRSWTAVDTAAQISEQKSNDASEAEHQRAYLEDCVEWLHKYLEKGKETLLHL

(α 3ドメイン)

EPPKTHV
THHPISDHEATLRCWALGFYPAEITLTWQQDGEHTQDTELVETRPAGDGTQKWAAVVPSGEEQRYTC
HVQHEGLPEPVTLRW

(膜貫通ドメイン)

KPASOPTIPIVGIIAGLVLLGSVSGAVVAAVIWRKKSSGGKGGSYSKAEWSDSA
QGSESHSL*

【0015】

HLA-Eの塩基配列は以下のとおりである。

HLA-E 塩基配列

atggtagatgaaaccctcctttactcctctcgaggccctggcccttacccagacctgg
gcgggctcccactccttgaagtattccacacttccgtgtccggccggccgcggggag
ccccgccttcatctgtgggtacgtggacgacacccagttcgtgcgcgtcgacaacgac
gcccgcgagtccgaggatggtgcgcggcgccgtggatggagcaggagggtcagagtat
tgggaccggagacacggagcgcaggacaccgcacagatttccgagtgaatcgcgg
acgctgcgcggctactacaatcagagcaggccgggtctcacaccctgcagtggatgcat
ggctgcgagctggggccgcaggcgcttccctccgcgggtatgaacagttgcctacgac
ggcaaggattatctcaccctgaatgaggacactgcgcctggaccgcggtgacacggcg
gctcagatctccgagcaaaagtcaaatgatgccttgaggcggagcaccagagagcctac
cttgcggacacatgcgtggagtggctccacaaataccctggagaaggggaaaggagacgtg
cttgcacccatggagccccaaagacacacgtgactcaccacccatctgaccatgaggcc
accctgagggtctggccctggcttctaccctgcggagatcacactgacccctggcaggcag
gtggggaggccatacccaggacacggagctcggtggagaccaggcctgcagggatgga
acccatccagaagtggcagctgtgggtgccttctggagaggagcagagatacacgtgc
catgtgcagcatgagggttaccccgagccgtcacccctgagatggaagccggcttccag
cccaccatccccatcggtggcatcattgcgtggctgggttctccctggatctgtggctct
ggagctgtggttgtgtgatatggaggaagaagagctcagggtggaaaaggagggagc
tactctaaggctgagtggagcgacagtgcggcagggtctgagtcacagcttgtaa

【0016】

HLA-G1のアミノ酸配列は以下のとおりである。

HLA-G1 アミノ酸配列

MVVMAPRTLFLLLSGALTLTETWAGSHSMRYFSAAVSRPGRGEPRFI AMGYVDDTQFVRFSDSACPRME
 PRAPWVEQEGPEYWEEETRNTKAHQQTDRMNLQTLRGYYNQSEASSHTLQWMIGCDLGSMDGRLLRGYEQY
 AYDGKDYLALNEDLRSWTAADTAQISKRKCEAAANVAEQRAYLEGTCVIEWLHRYLENGKEMLQRADPPK
 THVTHHPVFDYEATLRCWALGFYPAEII LTWORDGEDQTQDVELVETRPAGDGTFOQWAAVVVPSGEEQR
 YTCHVQHEGLPEPLMLRWKQSSLPTIPIMGIVAGLVVLAAVVTGAAVAALWRKKSSD*

(SP)

MVVMAPRTLFLLLSGALTLTETWA

(α 1ドメイン)

GSHSMRYFSAAVSRPGRGEPRFI AMGYVDDTQFVRFSDSACPRME
 PRAPWVEQEGPEYWEEETRNTKAHQQTDRMNLQTLRGYYNQSEA

(α 2ドメイン)

SSHTLQWMIGCDLGSMDGRLLRGYEQY
 AYDGKDYLALNEDLRSWTAADTAQISKRKCEAAANVAEQRAYLEGTCVIEWLHRYLENGKEMLORA

(α 3ドメイン)

DPPK
 THVTHHPVFDYEATLRCWALGFYPAEII LTWORDGEDQTQDVELVETRPAGDGTFOQWAAVVVPSGEEQR
 YTCHVQHEGLPEPLMLRW

(膜貫通ドメイン)

KQSSLPTIPIMGIVAGLVVLAAVVTGAAVAALWRKKSSD*

【0017】

HLA-G1の塩基配列は以下のとおりである。

HLA-G1 塩基配列

atggtgtcatggcgccccgaaccctcttcctgctactctcgggggccctgaccctgacc
gagacctggcgggctccactccatgaggtatccatcgccatggctacgtggacgacacgcagttcgtgcggttc
cgccggggagcccccgttcatcgccatggctacgtggacgacacgcagttcgtgcggttc
gacagcgaactcggcgtgtccgaggatggagccgcggccgtgggtggagcaggaggg
ccagagtatggaaagaggagacacggaacaccaaggcccacgcacagactgacagaatg
aacctgcagaccctgcgcggctactacaaccagagcggccagttctcacaccctccag
tggatgattggctgcgacctgggtccgacggtcgcctccgcgggtatgaacagtat
gcctacgatggcaaggattacctcgccctgaacgaggacctgcgcctggaccgcagcg
gacactgcggctcagatctccaagcgcaagtgtgaggcccaatgtggctgaacaaagg
agagcctacctggagggcacgtgcgtggagttccacagataccctggagaacggaaag
gagatgctgcagcgcgcggaccccccagaagacacacgtgacccacccctgtcttgac
tatgaggccaccctgagggtctggccctggcttctaccctgcggagatcatactgacc
tggcagcggatggggaggaccagacccaggacgtggagctcgtggagaccaggcctgca
ggggatggaaccttccagaagtgggcagctgtgggtgcctctggagaggagcagaga
tacacgtgccatgtgcagcatgagggctgcggagccctcatgctgagatggaagcag
tctccctgcccaccatccccatcatgggtatcgtgcgtggccctggttgccttgagct
gtagtcactggagctgcggtcgtgcgtgtggagaaagaagagctcagattga

【0018】

アミノ酸配列番号1の配列は以下のとおりである。

アミノ酸配列番号1

(改变型 SP) :

MAVMAPRTLVLSSGALTLETWA

(α 1 ドメイン) :GSHSLKYFHT SVSRPGRGEP RFISVGYVDD TQFVRFDNDA
ASPRMVPRAP WMEQEGSEYW DRETRSARDT AQIFRVNLRT
LRGYYNQSEA(α 2 ドメイン) :SSHTLQWMIG CDLGSDGRLL RGYEQYAYDG KDYLALNEDL
RSWTAADTAA QISKRKCEAA NVAEQRRAYL EGTCVEWLHR
YLENGKEMLQ RA(α 3 ドメイン) :EPPKTHVTHH PISDHEATLR CWALGFYPAA ITLTWQQDGE
GHTQDTELVE TRPAGDGTQ KWAAVVPSG EEQRYTCHVQ
HEGLPEPVTL RW

(膜貫通 ドメイン) :

KPASQPTIPI VGIAGLVLL GSVVSGAVVA AVIWRKKSSG
GKGGSYSKAE WSDSAQGSES HSL*

【0019】

塩基配列番号1の配列は以下のとおりである。

塩基配列番号 1

(改变型 SP) :

atggcggtcatggcgccccgaaccctgtctgctactctggggccctgaccctgacc
gagacctggcg

(α 1 ドメイン) :

ggctccactc~~tt~~gaagtattccacacttccgtgtccggccggccgcggagccc
cgcttcatctctgtggctacgtggacgacaccagttcgtgcgc~~tt~~cgacaacgacgcc
gcgagtccgaggatggtgccgcggcgccgtggatggagcaggagggcagagtattgg
gaccggagacacggagcgc~~cc~~acggacaccgcacagat~~tt~~ccgagtgaatctgcggacg
ctgcgcggctactacaatcagagcgg

(α 2 ドメイン) :

agttctcacaccc~~cc~~actcc~~ag~~tgatgattggctgcgac~~ct~~gggtccgcgg~~tc~~gc~~cc~~c~~tc~~c~~tc~~
cgcggtatgaac~~ag~~gtatgcctac~~gt~~ggcaaggattac~~ct~~cgcc~~ct~~gaac~~g~~agg~~ac~~ctg
cgctc~~ct~~tgaccgc~~ag~~ggacact~~gc~~ggctc~~ag~~atctccaa~~g~~gc~~ca~~agt~~gt~~gagg~~cg~~ggcc
aat~~gt~~ggctgaacaaaggag~~ag~~gac~~ct~~tgagg~~gg~~ac~~gt~~gc~~gt~~gg~~ag~~gtggctccacaga
tac~~ct~~tg~~g~~agaac~~gg~~gaagg~~ag~~at~~g~~ctgc~~ag~~gc~~gc~~gc~~g~~

(α 3 ドメイン) :

gagccccaaagacacacgtgactcaccacccatctgaccatgaggccaccctgagg
tgctggccctggcttctaccctgcggag~~ct~~cacactgac~~ct~~ggcagcaggatgggag
ggccata~~cc~~caggacacggag~~ct~~gtggagaccaggc~~ct~~gcagggatgg~~a~~acc~~tt~~ccag
aagtggcag~~ct~~gtgg~~gt~~gc~~tt~~ctggagagg~~ac~~gagatac~~ac~~gt~~cc~~at~~gt~~gc~~ag~~
catgaggggctacccgagccgtcaccctgagatgg

(膜貫通 ドメイン) :

aagccggctcc~~cc~~agccaccatccccat~~ct~~gtggcatcattgctggctgg~~tt~~tc~~tt~~
ggat~~ct~~gtgg~~tc~~ctggag~~ct~~gtgg~~tt~~gt~~ct~~gt~~gt~~gat~~at~~ggag~~ga~~agag~~tc~~agg~~t~~
ggaaaaggagggag~~ct~~actctaa~~gg~~ctgag~~gt~~ggag~~cg~~ac~~ag~~gt~~cc~~agg~~gg~~ctgag~~t~~
cacag~~tt~~gtaa

【0020】

アミノ酸配列番号 2 の配列は以下のとおりである。

アミノ酸配列番号 2

(改变型 SP) :

MAVMAPRTLVLGGALTLLT ETWA

(α 1 ドメイン) :

GSHSLKYFHT SVSRPGRGEP RFISVGYVDD TQFVRFDNDA
ASPRMVPRAP WMEQEGSEYW DRETRSARDT AQIFRVNLRT
LRGYYNQSEA

(α 2 ドメイン) :

GSHTLQWMHG CELGPDRRLRGYEQFAYDG KDYLTLNEDL
RSWTAVDTAA QISKRKCEAA NVAEQRRAYL EGTCVEWLHR
YLENGKEMLQ RA

(α 3 ドメイン) :

EPPKTHVTHH PISDHEATLR CWALGFYPAE ITLTWQQDGE
GHTQDTELVE TRPAGDGTFQ KWAAVVVPSG EEQRYTCHVQ
HEGLPEPVTL RW

(膜貫通ドメイン) :

KPASQPTIPI VGIAGLVLL GSVVSGAVVA AVIWRKKSSG
GKGGSYSKAE WSDSAQGSES HSL*

【0021】

塩基配列番号 2 の配列は以下のとおりである。

塩基配列番号 2

(改变型 SP) :

atggcggtcatggcgccccgaaccctcgctcgctactctcgggggccctgaccctgacc
gagacctggcg

(α 1 ドメイン) :

ggctcccactccttgaagtattccacacttccgtgtccggccggccgccccggagccc
cgcttcatctctgtggctacgtggacgacaccagttcgctgcgcctcgacaacgacgccc
gcgagtccgaggatggtgccgcggcgccgtggatggagcaggaggggtcagagtattgg
gaccgggagacacggagcgcgcagggacaccgcacagatttccgagtgaatctgcggacg
ctgcgcggctactacaatcagagcgaggcc

(α 2 ドメイン) :

gggtctcacaccctgcagtggatgcatggctgcgagctggggccgcacaggcgcttcctc
cgcggtatgaacagttcgctacgacggcaaggattatctcaccctgaatgaggacctg
cgctcctggaccgcggtgacactgcggctcagatctccaaagcgcaagtgtgagcgccaaatg
tggctgaacaaaggagagcctacctggagggcacgtgcgtggagtggctccacagataacct
ggagaacgggaaggagatgcgcgcgcgc

(α 3 ドメイン) :

gagcccccaaagacacacgtgactcaccacccatctcgaccatgaggccaccctgagg
tgctggccctggcttctaccctgcggagctcacactgacactggcagcaggatgggag
ggccataaccaggacacggagctcgtggagaccaggcctgcagggatggAACCTCCAG
aagtggcagctgtggtggtgcctctggagaggagcagagatacacgtgccatgtcag
catgagggctaccggccgcaccctgagatgg

(膜貫通ドメイン) :

aagccggctcccagccaccatccccatcggtggcatcattgcgtggctgggttcctt
ggatctgtggctctggagctgtgggtgcgtgtgatatggagggaaagaagagctcagg
ggaaaaggagggagctactctaaggctgagtgagcgcacagtgcggcagggtctgagtt
cacagcttgtaa

【0022】

アミノ酸配列番号 3 の配列は以下のとおりである。

アミノ酸配列番号3

(改変型 SP) :

MAVMAPRTLVLSSGALTLLT ETWA

(α1ドメイン) :

GSHSLKYFHT SVSRPGRGEP RFISVGYVDD TQFVRFDNDA
ASPRMVPRAP WMEQEGSEYW DRETRSARDTA QIFRVNLRT
LRGYYYNQSEA

(α2ドメイン) :

GSHTLQWMHG CELGPDRRFL RGYEQFAYDG KDYLTLNEDL
RSWTAVDTAA QISKRKCEAA SEAEHQRAYL EDTCVEWLHK
YLEKGKETLL HL

(α3ドメイン) :

EPPKTHVTHH PISDHEATLR CWALGFYPAA ITLTWQQDGE
GHTQDTELVE TRPAGDGTQ KWAAVVVPSG EEQRYTCHVQ
HEGLPEPVTL RW

(膜貫通ドメイン) :

KPASQPTIPI VGIIAGLVLL GSVVSGAVVA AVIWRKKSSG
GKGGSYSKAE WSDSAQGSES HSL*

【0023】

塩基配列番号3の配列は以下のとおりである。

塩基配列番号 3

(改変型 SP) :

atggcggtcatggcgccccgaaccctcgctctgtgctctcgggggccctgaccctgacc
gagacctggcg

(α 1 ドメイン) :

ggctccactccttgaagtattccacacttccgtgtccggccggccgcgggagccc
cgcttcatctctgtggctacgtggacgacacccagttcgtgcgcctcgacaacgacgcc
gcgagtcgaggatggtgccgcggcggatggagcaggaggggtcagagtattgg
gaccggagacacggagcgcacggacaccgcacagatccgagtgaatctgcggacg
ctgcggctactacaatcagagcgaggcc

(α 2 ドメイン) :

gggtctcacaccctgcagtggatgcatggctgcagctggggccgcacaggcgcttc
cgcggtatgaacagttcgctacgcggcaaggattatctcaccctgaatgaggacctg
cgctcctggaccgcggtgacactgcggctcagatctccaagcgcaagtgtgaggcc
tctgaggcggagcaccagagcacttggaaagacacatgcgtggatggctccacaaat
acctggagaagggaaaggagacgcgtcttaccctg

(α 3 ドメイン) :

gagccccaaagacacacgtgactcaccacccatctctgaccatgaggccaccctgagg
tgctggccctggcttctaccctgcggagctcacactgacctggcagcaggatggggag
ggccataccaggacacggagctcgtggagaccaggcctgcaggatggAACCTCCAG
aagtggcagctgtggtggtgcctctggagaggagcagagatacactgcgttgcag
catgagggctacccgagccgtcaccctgagatgg

(膜貫通 ドメイン) :

aagccggctccagccaccatccccatcggtggcatcattgcgtggctgggttc
ggatctgtggtctctggagctgtgggtgcgtgtgatatggaggaaagaagagctc
ggaaaaggagggagctacttaaggctgagtggagcgcacagtgcggccagggtct
cacagcttgtaa

【0024】

アミノ酸配列番号 4 の配列は以下のとおりである。

アミノ酸配列番号4

(HLA-E の SP) :

MVDGTLLLLL L SEALALTQQTWA(α 1 ドメイン) :GSHSLKYFHT SVSRPGRGEP RFISVGYVDD TQFVRFNDNA
ASPRMVPRAP WMEQEGSEYW DRETRSARDT AQIFRVNLRT
LRGYYNQSEA(α 2 ドメイン) :GSHTLQWMHG CELGPDRRFL RGYEQFAYDG KDYLTLNEDL
RSWTAVDTAA QISEQKCNDSEA EHQRAYL EDTCVEWLHK
YLEKGKETLL HL(α 3 ドメイン) :EPPKTHVTHH PISDHEATLR CWALGFYP AE ITLTWQQDGE
GHTQDTELVE TRPAGDGT FQ KWAAVVPSG EEQRYTCHVQ
HEGLPEPVTL RW

(膜貫通 ドメイン) :

KPASQPTIPI VGIAGLVLL GSVVSGAVVA AVIWRKKSSG
GKGGSYSKAE WSDSAQGSES HSL*

【0025】

塩基配列番号4 の配列は以下のとおりである。

塩基配列番号4

(HLA-E の SP) :

atggtagatggaaccctcctttactc cttcggaggccctggcccttacccagacctgg
gcg

(α 1 ドメイン) :

ggctcccactccttgaagtattccacactccgtgtccggccggccggggagccc
cgcttcatctctgtggctacgtggacgacacccagttcgtgcgcctcgacaacgacgcc
gcgagtccgaggatggtgcccgccgtggatggagcaggaggggtcagagtattgg
gaccggagacacggagcgcacggacacccgacagatttccgagtgaatctgcggacg
ctgcgcgctactacaatcagagcggcc

(α 2 ドメイン) :

gggtctcacaccctgcagtggatgcatggctgcgagctggggccgcaggcgcttc
cgccggatgaacagttgcctacgacggcaaggattatctaccctgaatgaggacctg
cgctctggaccgcgggtggacacggcggctcagatctccgagcaaaagtgtaatgatgcc
tctgaggcggagcaccagagagccgtacctggaagacacatgcgtggagtggctccacaaa
tacctggagaaggggaaggagacgcgtgcaccctg

(α 3 ドメイン) :

gagccccaaagacacacgtgactcaccacccatctctgaccatgaggccaccctgagg
tgctggccctggcttctaccctgcggagctcacactgacctggcagcaggatggggag
ggccatacccaggacacggagctcgtggagaccaggcctgcagggatggaacccatgg
aagtggcagctgtggtggtgcctctggagaggcagagatacactgcgtgcacatgtgc
catgagggctacccgagccgtaccctgagatgg

(膜貫通ドメイン) :

aagccggcttcccagcccaccatccccatcgtggcatcattgctggcctgggttc
ggatctgtggctctggagctgtgggtgctgtgtatggagagaagaagagctc
ggaaaaggagggagctactctaaggctgagtggagcgcacagtgc
cacagcttgtaa

【0026】

アミノ酸配列番号5の配列は以下のとおりである。

アミノ酸配列番号5

(改变型 SP) :

MAVMAPRTLVLSSGALTLT ETWA

(α 1 ドメイン) :GSHSLKYFHT SVSRPGRGEP RFISVGYVDD TQFVRFDNDA
ASPRMVPRAP WMEQEGSEYW DRETRSARDT AQIFRVNLRT
LRGYYNQSEA(α 2 ドメイン) :GSHTLQWMHG CELGPDRRL RGYEQFAYDG KDYLTLNEDL
RSWTAVDTAA QISEQKCNDSEAEEHQRAYL EDTCVEWLHK
YLEKGKETLL HL(α 3 ドメイン) :EPPKTHVTHH PISDHEATLR CWALGFYPAA ITLTWQQDGE
GHTQDTELVE TRPAGDGTFQ KWAAVVVPSG EEQRYTCHVQ
HEGLPEPVTL RW

(膜貫通 ドメイン) :

KPASQPTIPI VGIAGLVLL GSVVSGAVVA AVIWRKKSSG
GKGGSYSKAE WSDSAQGSES HSL*

【0027】

塩基配列番号5の配列は以下のとおりである。

塩基配列番号 5

(改変型 SP) :

atggcggtcatggcgccccgaaccctgtccctgctactctcgggggccctgaccctgacc
 gagacctggcg

(α 1 ドメイン) :

ggctcccactccttgaagtattccacacttccgtgtccggccggccgccccggagccc
 cgcttcatctctgtggctacgtggacgacaccagttcgtgcgcgttcgacaacgacgccc
 gcgagtccgaggatggtgccgcggcgccgtggatggagcaggaggggtcagagtattgg
 gaccgggagacacggagcgccagggacaccgcacagatttccgagtgaatctgcggacg
 ctgcgcggctactacaatcagagcgaggcc

(α 2 ドメイン) :

gggtctcacaccctgcagtggatgcatggctgcgagctggggcccgacaggcgcttcctc
 cgcgggtatgaacagttgcctacgacggcaaggattatctcaccctgaatgaggacctg
 cgctcctggaccgcgggtggacacggcggctcagatctccgagcaaaagtgtaatgtgcc
 tctgaggcggagcaccagagagccgtacctggaagacacatgcgtggagtggctccacaaa
 tacctggagaaggggaaggagacgctgcgttcacactg

(α 3 ドメイン) :

gagcccccaaagacacacgtgactcaccacccatctgtaccatgaggccaccctgagg
 tgctggccctggcttctaccctgcggagctcacactgacactggcagcaggatggggag
 gccataccaggacacggagctgtggagaccaggcctgcagggatggacacccatggc
 aagtggcagctgtgggtgcctctggagaggagcagagatacactgtgcgttcacactg
 catgaggggctacccgagccgtacccctgagatgg

(膜貫通 ドメイン) :

aagccggctcccagcccaccatccccatcgtggcatcattgctggctgggttcctt
 ggatctgtggctctggagctgtgggtgcgtgtgatatggagagaagaagagactcagg
 ggaaaaggagggagctactctaaggctgagtgagcgcacagtgcggccaggggtctgag
 cacagctgttaa

【0028】

アミノ酸配列番号 6 の配列は以下のとおりである。

アミノ酸配列番号6

(HLA-E の SP) :

MVDGTLLLLL SEALALTQTW A

(α 1 ドメイン) :

GSHSLKYFHT AVSRPGRGEP RFISVGYVDD TQFVRFDNDA
ASPRMVPRAP WMEQEGSEYW DRETRSARDT AQIFRVNLRT
LRGYYNQSEA

(α 2 ドメイン) :

GSHTLQWMHG CELGPDRRFRL RGYEQFAYDG KDYLTLNEDL
RSWTAVDTAA QISEQKCND A SEAEHQRAYL EDTCVEWLHK
YLEKGKETLL HL

(α 3 ドメイン) :

EPPKTHVTHH PISDHEATLR CWALGFYP AE ITLTWQQDGE
GHTQDTELVE TRPAGDGT FQ KWAAVVPSG EEQRYTCHVQ
HEGLPEPVTL RW

(膜貫通ドメイン) :

KPASQPTIPI VGIAGLVLL GSVVSGAVVA AVIWRKKSSG
GKGGSYSKAE WSDSAQGSES HSL*

【0029】

塩基配列番号6の配列は以下のとおりである。

塩基配列番号 6

(HLA-E の SP) :

atggtagatggaaccctcctttactc **ct**tcggaggccctggcccttacccagacacctgg
gcg

(α 1 ドメイン) :

ggctcccactccttgaagtattccacactgc **ccgtgtccggccggccggggagccc**
 cgcttcatctctgtggctacgtggacgacaccagttcgtgcgc **ttcgacaacgacgcc**
 gcgagtccgaggatggtgccgcggcgccgtggatggagcaggaggggtcagagtattgg
 gaccgggagacacggagcgc **ccaggacaccgcacagatttccgagtgaatctgcggacg**
 ctgcgcggctactacaatcagagcggcc

(α 2 ドメイン) :

gggtctcacaccctgcagtggatgcatggctgc **gagctggggccgcacaggcgcttc**
 cgcgggtatgaacagttgcctacgacggcaaggattatctcaccctgaatgaggac **ctg**
 cgctcctggaccgcggtggacacggcggctcagatctccgagcaaaagtgtaatgatgcc
 tctgaggcggagcaccagagagccgtacctggaagacacatgcgtggagtggctccacaaa
 tacctggagaaggggaaggagacgctgc **ttcacctg**

(α 3 ドメイン) :

gagcccccaaagacacacgtgactcaccacccatctctgaccatgaggccaccctgagg
 tgctggccctggcttctaccctgcggagctcacactgac **ctggcagcaggatgggag**
 ggc **ccat**acccaggacacggagctcgtggagaccaggcctgcaggatggac **ccttccag**
 aagtggcagctgtggtggtgcctctggagaggagcagagatacacgtgccatgtc **cag**
 catgaggggctacccgagccgtaccctgagatgg

(膜貫通ドメイン) :

aaggccggcttcccagcccaccatccccatcgtggcatcattgc **tggcctggtttc**
 g **gtatctgtggctctggagctgtggttgc**gtgtatggaggaagaagagctcaggt
 ggaaaaggaggagactctaaggctgagtggagcgc **acagtgc**ccagggtctgagtc
 cacagctgtaa

【0030】

アミノ酸配列番号 7 の配列は以下のとおりである。

アミノ酸配列番号 7

(改変型 SP) :

MAVMAPRTLVLSSGALTLT ETWA

(α 1 ドメイン) :GSHSLKYFHT AVSRPGRGEP RFISVGYVDD TQFVRFDNDA
ASPRMVPRAP WMEQEGSEYW DRETRSARDT AQIFRVNLRT
LRGYYNQSEA(α 2 ドメイン) :GSHTLQWMHG CELGPDRRLRGYEQFAYDG KDYLTLNEDL
RSWTAVDTAA QISEQKCNDSEAEHQRAYL EDTCVEWLHK
YLEKGKETLL HL(α 3 ドメイン) :EPPKTHVTHH PISDHEATLR CWALGFYPAA ITLTWQQDGE
GHTQDTELVE TRPAGDGTFQ KWAAVVVPSG EEQRYTCHVQ
HEGLPEPVTL RW

(膜貫通ドメイン) :

KPASQPTIPI VGIIAGLVLL GS VVSGAVVA AVIWRKKSSG
GKGGSYSKAE WSDSAQGSES HSL*

【0031】

塩基配列番号 7 の配列は以下のとおりである。

塩基配列番号7

(改変型SP)：

```
atggcggtcatggcgccccgaaccctcgctcgtaactctcgggggccctgaccctgacc
gagacctggcg
```

(α1ドメイン)：

```
ggctcccactcctgaagtattccacactgcccgtgtcccgccggccgcgggagccc
cgcttcatctctgtggctacgtggacgacacccagttcgtgcgcctcgacaacgacgccc
gcgagtccgaggatggtgccgcggcgcgtggatggagcaggaggggtcagagtattgg
gaccgggagacacggagcgcagggacacccgcacagatttccgagtgaatctgcggacg
ctgcgcggctactacaatcagagcggaggcc
```

(α2ドメイン)：

```
gggtctcacaccctgcagtggatgcattggctgcgagctggggccgcacaggcgcttcctc
cgcggtatgaacagttgcctacgacggcaaggattatctcaccctgaatgaggacactg
cgctcctggaccgcggctggacacggcggctcagatctccgagcaaaagtgtaatgtgcc
tctgaggcggagcaccagagagccgtacctggaaagacacatgcgtggagtggctccacaaa
tacctggagaagggaaaggagacgctgcitcacctg
```

(α3ドメイン)：

```
gagcccccaaagacacacgtgactcaccacccatctgaccatgaggccaccctgagg
tgctggccctggcttctaccctgcggagctcacactgacactggcagcaggatgggag
ggccatacccaggacacggagctgtggagaccaggcctgcagggatggacacccatgg
aagtggcagctgtggtggtgccttctggagaggagcagagatacactgcgttgcag
catgaggggttacccgagccgtaccctgagatgg
```

(膜貫通ドメイン)：

```
aagccggcttcccagccaccatccccatcgtggcatcattgctggctgggttcctt
ggatctgtggctctggagctgtgggtgcgtgtgatatggagagaagagactcaggt
ggaaaaggagggagctactctaaggctgagtgagcgcacagtgcggcagggtctgagtt
cacagcttgcata
```

【実施例】

【0032】

以下、実施例に基づいて本発明をより詳細に説明するが、本発明はこれらの例に限定されるものではない。

実施例1

各種HLA-Eキメラ分子の非ヒト哺乳類細胞での発現(1)

表1に記載の構成から成るアミノ酸配列をコードする塩基配列を発現ベクターであるpC

XN（チキンの β アクチングリコブロモーター、CMVのエンハンサーを有する）に導入した。次に各導入遺伝子をCHO細胞に導入し、抗HLA抗体（Pan-Class I抗体、B9.12.1、コスモバイオ）を用いてFACS解析し、発現量の相対値を求めた。その結果を表1に示す。

【0033】

表1. 各種 HLA-E キメラ分子の非ヒト哺乳類細胞に於ける発現

記号	分子の構成	発現相対量
(1) HLA-G1	HLA-G1 分子	100
(2) HLA-E	HLA-E 分子	<1
(3) HLA-E(V)	上記(2)の SP を改変型 SP に置換	2
(4) E(V)-TM	上記(3)の TM を上記(1)の TM に置換	2
(5) E(V)- α 3TM	上記(3)の α 3, TM を上記(1)の α 3, TM に置換	<1
(6) E(V)- α 2	上記(3)の α 2 を上記(1)の α 2 に置換	62
(7) E(V)- α 1 α 3TM	上記(3)の α 1, α 3 と TM を上記(1)の α 1, α 3 と TM に置換	<1
(8) E(V)- α 1	上記(3)の α 1 を上記(1)の α 1 に置換	<1
(9) E(V)- α 1-1	上記(3)の α 1 の前半部分を上記(1)の α 1 の前半部分に置換	<1
(10) E(V)- α 1-2	上記(3)の α 1 の後半部分を上記(1)の α 1 の後半部分に置換	<1
(11) E(V)- α 2-1	上記(3)の α 2 の前半部分を上記(1)の α 2 の前半部分に置換	<1
(12) E(V)- α 2-2	上記(3)の α 2 の後半部分を上記(1)の α 2 の後半部分に置換	29
(13) E(V)- α 2-2-1	上記(3)の α 2 の後半部分のうちの前半部分を上記(1)の α 2 の後半部分のうちの前半部分に置換	26
(14) E(V)- α 2-2-2	上記(3)の α 2 の後半部分のうちの後半部分を上記(1)の α 2 の後半部分のうちの後半部分に置換	4

(注1) 改変型 SP : MAVMAPRTLVLILLSGALTETWA

(注2) SP : シグナルペプチド、 α 1: α 1 ドメイン、 α 2: α 2 ドメイン、 α 3: α 3 ドメイン、TM: 膜貫通ドメイン。

【0034】

表1に示す結果から、HLA-E分子のSP配列をHLA-G1のSPに類似する改変型SP (MAVMAPRTLVLILLSGALTETWA) に置換すると共に、HLA-E分子の α 2ドメイン（アミノ酸91-182）、HLA-E分子の α 2ドメインの後半部分（アミノ酸137-182）又はHLA-E分子の α 2ドメインの後半部分のうちのその前半部分（アミノ酸137-150）をそれぞれに対応するHLA-G1分子のアミノ酸配列に置換することによって、HLA-Eキメラ分子は効率よくCHO細胞上に発現することが確認された。

【0035】

実施例2

各種HLA-Eキメラ分子の非ヒト哺乳類細胞での発現（2）

表2に記載の構成から成るアミノ酸配列をコードする塩基配列を発現ベクターであるpCXNに導入した。次に各導入遺伝子をCHO細胞に導入し、抗HLA抗体を用いてFACS解析した。その結果を表2に示す。

【0036】

表2. 各種 HLA-E キメラ分子の非ヒト哺乳類細胞に於ける発現

記号	分子の構成	FACSのピーク
(1) Vector	ベクターのみ	4.94
(2) HLA-E	HLA-E分子	15.07
(3) HLA-E(V)	上記(2)のSPを改変型SPに置換	36.84
(4) HLA-E(147)	上記(2)の α 2ドメインのアミノ酸147のセリンをシスティンに置換	121.84
(5) HLA-E(V _x 147)	上記(4)のSPを改変型SPに置換	313.97

【0037】

表2に示す結果から、HLA-E分子の α 2ドメインのアミノ酸147のセリンをHLA-G1分子の α 2ドメインのアミノ酸147のシスティンに置換したHLA-Eキメラ分子は効率よくCHO細胞上に発現することが確認された、またHLA-E分子のSP配列を改変型SP (MAVMAPRTLVLLSGAL TLTETWA) に置換すると共にHLA-E分子の α 2ドメインのアミノ酸配列番号147をシスティンに置換したHLA-Eキメラ分子はさらに効率よくCHO細胞上に発現することが確認された。セリンの β 位の水酸基 (-OH) をシスティンのチオール基 (-SH) に置換することによりHLA-Eキメラ分子はさらに効率よくCHO細胞上に発現することが確認された。

【0038】

実施例3

HLA-Eキメラ分子を発現する非ヒト哺乳類細胞のヒトNK細胞の細胞傷害活性に対する抵抗性

表3に記載の構成から成るアミノ酸配列をコードする塩基配列を発現ベクターであるpCXNに導入した。次に各導入遺伝子をブタ血管内皮細胞 (SEC) に導入し、各安定細胞株を作製した。各形質転換SEC細胞にヒトNK様細胞 (YT) を5:1の割合で作用させ (37°C、4時間)、SECから遊離される乳酸脱水素酵素 (LDH) を指標としてヒトNK細胞の細胞傷害活性を測定し、細胞傷害率の相対値を求めた。その結果を表3に示す。

【0039】

表3. 各種ブタ血管内皮細胞のヒトNK細胞の細胞傷害活性に対する抵抗性

形質転換細胞	内容	細胞傷害率 (相対値)
(1) SEC	遺伝子導入操作なし	100 ^a
(2) Mock	Mock遺伝子を導入	94 ^a
(3) HLA-E(V)	HLA-E分子のSPを改変型SPに置換した HLA-Eキメラ分子をコードする塩基配列で形質転換	85 ^b
(4) HLA-E(V,147)	HLA-E分子のSPを改変型SPに置換すると共に、HLA-E分子の α 2ドメインのアミノ酸147をシスティンに置換したHLA-Eキメラ分子をコードする塩基配列で形質転換	35 ^c
(5) HLA-E(V,11,147)	上記(4)に加え、 α 1ドメインのアミノ酸11をアラニンに置換したHLA-Eキメラ分子をコードする塩基配列で形質転換	21 ^a

(注) ^{a,b,c,d} : 異なる上付き文字を有する群間では有意差あり (P<0.05)。

【0040】

表3に示す結果から、HLA-E分子のSPを改変型SPに置換したHLA-Eキメラ分子、HLA-E分子のSPを改変型SPに置換すると共にHLA-E分子の α 2ドメインのアミノ酸147をシスティン

に置換したHLA-Eキメラ分子、及び、上記に加え α 1ドメインのアミノ酸11をアラニンに置換したHLA-Eキメラ分子、の何れかをコードする塩基配列で形質変換されたブタ血管内皮細胞はヒトNK細胞による細胞傷害を抑制することが確認された。

【書類名】要約書

【要約】

【課題】 非ヒト哺乳類細胞にヒトNK細胞による細胞傷害活性を抑制するHLA-Eキメラ分子、当該キメラ分子をコードする塩基配列、同塩基配列で形質転換された非ヒト哺乳類細胞及び当該哺乳動物を提供する。

【解決手段】 本発明のHLA-Eキメラ分子は、HLA-Eのシグナルペプチド領域、 $\alpha 1$ ドメイン及び／又は $\alpha 2$ ドメインの全部又は一部を改変したペプチドであり、また本発明の塩基配列は当該キメラ分子をコードする塩基配列である。本発明の塩基配列を導入した形質転換体はHLA-Eを効率的に発現するという効果を有する。】

認定・付加情報

特許出願の番号	特願2003-374944
受付番号	50301824910
書類名	特許願
担当官	第五担当上席 0094
作成日	平成16年 3月 4日

<認定情報・付加情報>

【提出日】	平成15年11月 4日
-------	-------------

特願 2003-374944

出願人履歴情報

識別番号

[503198688]

1. 変更年月日 2003年 6月 2日
[変更理由] 新規登録
住所 兵庫県芦屋市津知町 3-12
氏名 宮川 周士

特願 2003-374944

出願人履歴情報

識別番号 [503200095]

1. 変更年月日 2003年 6月 2日

[変更理由] 新規登録

住所 茨城県つくば市緑ヶ原3-3
氏名 株式会社日本動物工学研究所